

Tóm tắt khóa luận tốt nghiệp

NGHIÊN CỨU ĐA DẠNG DI TRUYỀN CỦA QUẦN THỂ NẤM *C. Cassiicola* (Burt & Curt) Wei GÂY BỆNH CHO CÂY CAO SU TẠI TRẠI THỰC NGHIỆM CAO SU LAI KHÊ, VIỆN NGHIÊN CỨU CAO SU VIỆT NAM BẰNG KỸ THUẬT RAPD

Sinh viên: Lê Văn Huy

Khóa: 2002 - 2006

Bệnh rụng lá *Corynespora* gây ra bởi nấm *C. cassiicola* đang được xem là bệnh lá nguy hiểm nhất cho các vùng trồng cao su trên thế giới. Ở Việt Nam, bệnh xuất hiện lần đầu vào tháng 8 năm 1999 tại trại thực nghiệm cao su Lai Khê, Viện Nghiên Cứu Cao Su Việt Nam. Hiện nay bệnh đang trong giai đoạn tích lũy và có thể bùng phát trong tương lai. Sự quan tâm hiện nay là xác định sự đa dạng di truyền của nguồn bệnh.

Do đó 11 nguồn nấm gây bệnh cho các dòng vô tính cao su khác nhau được phân lập, tách đơn bào tử, nhân sinh khối, ly trích DNA. Kỹ thuật RAPD sử dụng 3 primer (OPL-08, OPM-05, OPD - 18) đã được áp dụng để phát hiện sự đa dạng di truyền trên 11 nguồn nấm trên. Phân tích dữ liệu RAPD của 11 nguồn nấm trên đã chia các nguồn nấm thành hai nhóm lớn. Cây phả hệ (dendrogram) được có hệ số đồng dạng di truyền từ 0,43 – 0,94. Điều này cho thấy có sự đa dạng di truyền giữa các nguồn nấm được nghiên cứu. Tuy nhiên, sự khác biệt về hình thái thì dường như không liên quan đến các nhóm RAPD trong nghiên cứu này. Thông tin thu được từ nghiên cứu này có thể giúp hiểu biết sâu hơn về sự bùng phát của nguồn bệnh, tiên đoán về sự phát triển của nguồn bệnh và phát triển các chiến lược lai giống tạo các dòng vô tính kháng bệnh một cách hiệu quả hơn. Kết quả cũng chỉ ra rằng kỹ thuật RAPD có thể mở rộng để đánh giá đa dạng di truyền của nấm *Corynespora cassiicola* ở Việt Nam.